

Table S1. Environmental parameters of the Delaware estuary samples described in Waidner and Kirchman (2008 AEM).

Distance (km)	Date	Seston (mg/L)	Salinity	Temp. (deg C)	Chl a (µg/L)	Oxygen (µg/L)	Nitrate+Nitrite (µM)	NH4 (µM)	PO4 (µM)
9	8/31/02		31.60	23.0	2.9	7.1	1.60		0.16
45	8/31/02	5.86	20.10	24.4	3.5	7.3	30.00		0.08
66	8/31/02	12.76	15.70	24.8	3.0	7.5	65.24	5.10	0.12
82	8/31/02	13.00	11.60	25.6	3.0	7.6	106.93	19.40	0.64
100	8/31/02	30.99	6.50	24.6	3.9	7.9	145.10	50.50	1.84
121	8/28/02	26.12		27.0	5.0	7.8			
136	8/28/02	45.11	0.58	27.3	6.2	7.9	128.30	46.00	3.37
142	8/28/02	34.95		27.1	5.1	7.9			
158	8/28/02	15.60	0.24	27.0	3.1	7.9	86.93	38.80	2.59
178	8/28/02			27.0	3.0	7.9			
198	8/28/02	13.73	0.12	27.7	4.7	7.8	82.10	16.10	1.47
9	10/22/02	1.35	30.96	17.4	3.7	8.0	3.57	8.75	1.23
18	10/22/02	4.44	28.49	16.5	2.8	8.2	7.35	9.00	1.33
38	10/22/02	4.48	24.94	16.9	2.5	8.3	22.90	8.15	1.88
45	10/22/02	6.87	20.99	15.7	5.3	8.6	44.89	6.35	2.18
66	10/22/02	22.14	10.56	16.2	0.9	9.1	105.21	1.63	2.95
100	10/22/02	70.29	1.19	16.4	0.8	9.7	176.40	2.45	3.65
121	10/21/02	40.45	0.14	16.0	0.9	9.9	128.52	11.14	3.23
151	10/21/02	20.50		13.4	0.5	10.4			
174	10/21/02	20.02	0.06	12.3	0.3	10.7	56.49	3.74	1.30
210	10/21/02	14.58		11.3	0.3	11.0			
9	11/6/02	16.34		12.2	8.4	9.0			
29	11/6/02	9.35	28.00	12.2	17.1	9.0	11.68	3.43	0.84
45	11/6/02	12.00	19.50	11.1	5.5	9.7	64.08	6.48	2.29
66	11/3/02	30.77	13.80	11.5	3.0	10.0	110.50	5.28	2.90
82	11/3/02	69.63	7.70	11.6	2.8	10.4	174.00	8.43	3.28
121	11/3/02	41.05	0.11	10.9	2.1	10.8	157.25	6.65	3.24
136	11/2/02	39.71	0.10	10.9	1.7	11.1	129.75	34.13	3.15
142	11/2/02	30.02	0.10	10.8	2.1	11.1	123.00	31.90	3.01
158	11/2/02	17.30	0.08	10.8	1.3	11.2	87.30	25.60	2.24
170	11/2/02	18.50	0.08	10.7	1.2	10.9	83.60	22.35	2.17
178	11/2/02	39.92	0.08	9.7	1.5	11.4	81.83	7.73	1.76
198	11/1/02	25.87	0.08	9.0	1.0	11.6	81.15	6.13	1.60
9	7/9/04	0.12	30.75	19.1	0.2	7.7			
66	7/9/04	35.97	11.12	26.2	0.5	7.6			
100	7/9/04	25.88	3.16	26.6	0.7	7.9			
136	7/8/04	13.27	0.15	26.8	0.6	8.0			
158	7/8/04	17.29	0.13	26.4	0.8	8.0			
198	7/8/04	9.95	0.12	27.3	1.0	7.9			
9	3/7/2005		28.72	3.3		9.4			
28	3/7/2005	88.66	22.55	3.3		10.4			
47	3/8/2005	127.86	15.68	3.0		10.6			
66	3/8/2005	91.14	12.04	3.1		10.6			
78	3/8/2005	46.73	7.11	3.5		10.5			
112	3/8/2005	10.91	0.18	3.6		10.5			
121	3/8/2005	12.12	0.16	3.5		10.5			
131	3/8/2005	11.10	0.17	3.6		10.4			

Supplemental Table S2. Specificity of Rhodobacter-like pufM primers for qPCR. The forward and reverse primer sequences were aligned with 397 and 425 sequences respectively from the Delaware estuary, Sargasso, Mediterranean, and Red seas, Monterey Bay, and Rhodobacter, Roseobacter, and Erythrobacter isolates. The sequences are ordered top to bottom with respect to PCR priming efficacy of the primer sequences. A dot at the position indicates an exact match to the primer.

Supplemental Table S2 for

Waidner, L. A., and D. L. Kirchman. 2008. Diversity and distribution of ecotypes of the aerobic anoxygenic phototrophy gene pufM in the Delaware estuary. *Appl. Environ. Microbiol.* 74:4012-4021.

	5' <span style="float:right">3'</span>						Percent match to														
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
RbaF1 primer translation	W			T			N				L				F			S			
DelRiverFos13D03	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
bacterium_R2A163	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	94	100	100
SI2DecG07	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	94	100	100
cDNA-1E8	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	89	100	100
cDNA-1H1	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	89	100	100
cDNA-3D9	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	89	100	100
cDNA-3E6	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	89	100	100
ST2AUG38	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	89	100	100
DB_1E03	.	.	.	.	C	.	C	.	G	C	.	.	.	.	.	.	.	.	78	100	100
DB_2B02	.	.	.	.	C	.	C	.	G	C	.	.	.	.	.	.	.	.	78	100	100
Rhodobacter_blasticus	.	.	.	.	C	.	.	A	A	C	.	.	.	.	.	.	.	.	78	100	100
ST2AUG06	.	.	.	.	C	.	.	A	A	C	.	.	.	.	.	.	.	.	78	100	100
ST2AUG42	.	.	.	.	C	.	.	A	A	C	.	.	.	.	.	.	.	.	78	100	100
cDNA-1A9	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
cDNA-1B4	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
cDNA-1C7	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
cDNA-1C9	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
cDNA-1G5	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
cDNA-3A5	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
cDNA-3C4	.	.	.	.	C	.	.	T	A	T	G	.	.	.	A	.	.	.	67	67	67
Roseobacter_S03	.	.	.	.	C	.	T	.	.	.	.	.	.	.	T	C	.	.	78	67	33
DB_2A10	.	.	.	.	C	C	G	.	C	.	.	.	.	.	T	C	.	.	67	67	33
ST2AUG07	.	.	.	.	C	A	G	C	C	.	.	.	.	.	T	C	.	.	61	67	33
ST2AUG44	.	.	.	.	C	A	G	C	C	.	.	.	.	.	T	C	.	.	61	67	33
ST2AUG61	.	.	.	.	C	A	G	C	C	.	.	.	.	.	T	C	.	.	61	67	33
ST2AUG99	.	.	.	.	C	A	G	C	C	.	.	.	.	.	T	C	.	.	61	67	33
cDNA-1A12	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
cDNA-1B7	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
cDNA-1C6	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
cDNA-1H9	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
cDNA-3A3	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
cDNA-3B7	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
cDNA-3D2	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_1B11	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_1C12	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_1D11	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_1F11	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_1G11	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_1H11	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2A04	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2A07	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2A11	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2A12	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2B08	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2C02	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33
DB_2C06	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	.	56	67	33

RbaF1 primer translation	5' 3'						Percent match to															
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END	
	W			T			N			L			F			S						
DB_2C09	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2C11	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2D06	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2D10	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2E02	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2E03	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2E06	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2E08	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2F04	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2F10	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2G04	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2H01	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2H07	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
DB_2H09	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	.	56	67	33	
cDNA-1C4	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
cDNA-1G4	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
cDNA-3B3	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
ST2AUG37	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	C	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
Sl2DecD04	.	.	.	.	.	C	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
Sl2DecD08	.	.	.	.	.	C	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
Sl2DecG08	.	.	.	.	.	C	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	.	50	67	33	
Sar01400725	.	.	.	.	.	A	.	.	T	T	A	T	.	.	.	T	T	C	.	56	50	33
Sar01400725	.	.	.	.	.	A	.	.	T	T	A	T	.	.	.	T	T	C	.	56	50	33
cDNA-1F9	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
DB_2A02	.	.	.	.	.	C	G	C	A	G	C	.	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
DB_2A09	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
DB_2G08	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
DB_2H06	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	T	.	50	50	33
eBACred25D05	.	.	.	.	.	A	.	C	T	G	C	A	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
red12242701	.	.	.	.	.	A	.	C	T	G	C	A	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
red13211051	.	.	.	.	.	A	.	C	T	G	C	A	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
redE100P3	.	.	.	.	.	A	.	C	T	G	C	A	.	.	.	T	T	C	.	50	50	33
cDNA-3C3	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	A	.	.	.	T	C	.	44	50	33
cDNA-3E11	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	.	G	T	C	.	44	50	33	
red12222201	.	.	.	.	.	A	C	C	T	G	C	A	.	.	.	T	T	C	.	44	50	33
Sl2DecD03	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	T	C	.	44	50	33
cDNA-1A10	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-1B3	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-1E12	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-1F11	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-1G1	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3A11	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3A6	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3B11	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3C10	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3C7	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3D11	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0
cDNA-3D8	.	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	T	C	G	.	61	50	0

	5' → 3'						Percent match to															
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END	
	W			T			N			L			F			S						
RbaF1 primer translation																						
cDNA-3E4	.	.	.	.	A	.	C	.	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	61	50	0	
medS06P2	.	.	.	.	C	.	C	.	G	C	.	.	.	.	.	T	C	A	61	50	0	
ST2AUG13	.	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	61	50	0	
ST2AUG60	.	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	61	50	0	
ST2AUG69	.	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	61	50	0	
bacterium_MBIC3951	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
cDNA-1A5	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_1E01	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_1G02	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2A03	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2B04	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2B11	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2B12	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2C01	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2C08	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2C12	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2D07	.	.	.	.	A	G	C	.	G	C	.	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
DB_2D12	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2E11	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2G01	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DB_2G06	.	.	.	.	A	G	C	.	G	C	.	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
DB_2H11	.	.	.	.	.	C	.	A	A	A	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
DelRiverFos06H03	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
medS01P12	.	.	.	.	T	G	C	.	G	C	.	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
medS06P3	.	.	.	.	T	G	C	.	G	C	.	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
Rhodovulum_sulfidophilum	.	.	.	.	C	.	C	.	G	C	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG01	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG100	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG101	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG104	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG105	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG33	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG45	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG58	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG74	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG75	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG85	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG87	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
ST2AUG94	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
St2DecA03	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecA06	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecA09	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecB06	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	
St2DecB08	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecB09	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecB12	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecC04	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	.	T	C	A	56	50	0	
St2DecC07	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	.	T	C	G	56	50	0	

RbaF1 primer translation	5' 3'						Percent match to														
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	W			T			N			L			F			S					
Sl2DecC10	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecC11	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecD07	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecD12	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	T	C	G	56	50	0
Sl2DecE07	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecE08	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecF01	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecF03	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecF06	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecF07	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecF11	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecG02	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecG11	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	A	.	.	.	T	C	A	56	50	0
Sl2DecH07	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	T	.	.	.	T	C	A	56	50	0
cDNA-1A4	.	.	.	.	.	.	A	G	C	.	G	C	C	.	.	T	C	A	50	50	0
cDNA-1B1	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1B8	.	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1C1	.	.	.	.	.	.	A	G	C	.	G	C	C	.	.	T	C	A	50	50	0
cDNA-1C3	.	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1D5	.	.	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1E3	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1F5	.	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1F7	.	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1G8	.	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1G9	.	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3A10	.	.	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3A2	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3A8	.	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3B5	.	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3C1	.	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3C2	.	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3D12	.	.	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-3E10	.	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_1B01	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_1B12	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_1C01	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_1C03	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_1D03	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_1E02	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_1F02	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_1G03	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_2A05	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_2A08	.	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	.	.	.	C	C	A	50	50	0
DB_2B01	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_2B05	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
DB_2B07	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_2B09	.	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0
DB_2C04	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0

RbaF1 primer translation	5' <span style="float:right">3'</span>						Percent match to														
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	W			T			N			L			F			S					
DB_2D03	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2D04	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2D08	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
DB_2E05	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2E07	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2E10	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2E12	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2F01	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2F03	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
DB_2F08	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
DB_2G05	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
DB_2G09	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	A	50	50	0	
DB_2G10	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
DB_2G12	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	A	50	50	0	
MBBAC29C02	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
MBBAC65D09	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0	
Roseobacter_BS90	.	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG04	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG09	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG10	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG103	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG106	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG107	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG14	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG17	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG18	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG19	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG20	.	.	.	.	.	T	G	C	G	G	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG22	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG23	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG24	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG25	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG29	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG30	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG31	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG32	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG34	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG35	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG36	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG39	.	.	.	.	.	C	G	C	.	G	C	A	.	.	T	C	A	50	50	0	
ST2AUG40	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG41	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG43	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG47	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG48	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG49	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG50	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	
ST2AUG51	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	T	C	G	50	50	0	

RbaF1 primer translation	5' 3'						Percent match to														
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	W			T			N			L			F			S					
ST2AUG53	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG54	.	.	.	.	.	T	G	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG55	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG57	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG59	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG63	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG64	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG66	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG67	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG68	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG71	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG72	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG73	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG76	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG77	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG79	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG80	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG81	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	C	C	G	50	50	0
ST2AUG82	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG83	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG89	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG90	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG92	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG93	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG97	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
ST2AUG98	.	.	.	.	.	A	.	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecA01	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecA04	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecA07	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecA11	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecB05	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecB10	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecB11	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecD01	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	T	50	50	0
Sl2DecD05	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecD09	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecD10	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecD11	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	T	50	50	0
Sl2DecE04	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecE05	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecE06	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecE09	.	.	.	.	.	.	G	C	T	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecE10	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecE11	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecE12	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecF05	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecF08	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecF09	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0



	5'						3'			Percent match to											
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	W			T			N			L			F			S					
RbaF1 primer translation																					
Sl2DecF10	.	.	.	.	.	.	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecF12	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecG03	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecG05	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecG06	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
Sl2DecH09	.	.	.	.	.	.	G	C	A	G	C	T	.	.	.	T	C	G	50	50	0
cDNA-1A1	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1B12	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1C5	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1D10	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-1E10	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1E11	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-1E6	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1E9	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-1F1	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1F2	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-1F6	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-1H3	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-3A12	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-3A9	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-3B10	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-3B2	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-3B8	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	T	44	50	0
cDNA-3C11	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-3C8	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-3D10	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-3D4	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-3E1	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	T	44	50	0
DB_1H02	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
DB_2C03	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
DB_2H05	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
MBBAC24D02	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	.	.	T	C	G	44	50	0
MBBAC39B11	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
MBBAC52B02	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	.	.	T	C	G	44	50	0
ST2AUG08	.	.	.	.	.	C	G	G	G	G	C	A	.	.	.	T	C	A	44	50	0
ST2AUG102	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
ST2AUG16	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	A	.	.	.	T	C	A	44	50	0
ST2AUG46	.	.	.	.	.	A	T	C	T	G	C	A	.	.	.	T	C	G	44	50	0
ST2AUG56	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	44	50	0
ST2AUG86	.	.	.	.	.	A	T	C	T	G	C	A	.	.	.	T	C	G	44	50	0
ST2AUG91	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	A	.	.	.	T	C	A	44	50	0
Sl2DecB07	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	A	44	50	0
Sl2DecC01	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	A	.	.	.	T	C	T	44	50	0
Sl2DecC02	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
Sl2DecD02	.	.	.	.	.	A	G	C	A	G	C	C	.	.	.	T	C	G	44	50	0
Sl2DecD06	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	C	.	.	.	T	C	A	44	50	0
cDNA-1B9	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	.	.	.	G	T	C	G	56	33	0
cDNA-1F3	.	.	.	.	.	.	G	C	.	G	C	.	.	.	G	T	C	G	56	33	0

	5' <span style="float: right;">3'</span>						Percent match to											
	T	G	G	A	C	G	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END									
RbaF1 primer	T	G	G	A	C	G												
translation	W	T		N		L	F	S										
cDNA-3A7	.	.	.	.	G	C	.	G	C	.	.	G	T	C	G	56	33	0
cDNA-3E12	.	.	.	.	G	C	.	G	C	.	.	G	T	C	G	56	33	0
Roseobacter_OCH114	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	T	T	C	G	56	33	0
Roseobacter_denitrificans	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	T	T	C	G	56	33	0
Roseobacter_litoralis	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	T	T	C	G	56	33	0
cDNA-1F10	.	.	.	.	G	C	A	G	C	.	.	T	T	C	G	50	33	0
DB_2H08	.	.	.	C	.	C	G	G	C	.	.	T	T	C	G	50	33	0
medS01P3	.	.	.	A	.	C	T	G	C	.	.	T	T	C	A	50	33	0
ST2AUG95	.	.	.	.	G	C	A	G	C	.	.	T	T	C	G	50	33	0
Sl2DecA05	.	.	.	.	G	C	G	G	C	.	.	T	T	C	G	50	33	0
DB_1A12	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1B02	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1C02	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1C11	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1F01	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1F03	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1G01	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_1H03	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2A01	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2B06	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2C05	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2D01	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2D09	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2E01	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2F02	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2F05	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2F07	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2F11	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2F12	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2G11	.	.	.	.	G	C	T	G	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2H03	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2H04	.	.	.	C	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
DB_2H10	.	.	.	T	.	T	G	A	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
Sar01024194	.	.	.	A	.	T	G	A	A	C	.	T	T	C	A	44	33	0
Sar01024194	.	.	.	A	.	T	G	A	A	C	.	T	T	C	A	44	33	0
SarY01093008	.	.	.	A	.	T	G	A	A	C	.	T	T	C	A	44	33	0
Sl2DecB04	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	T	T	C	G	44	33	0
Sl2DecC03	.	.	.	A	G	C	.	G	C	C	.	T	T	C	A	44	33	0
Sl2DecC05	.	.	.	T	G	C	.	G	C	A	.	T	T	C	T	44	33	0
Sl2DecC06	.	.	.	T	G	C	.	G	C	A	.	T	T	C	T	44	33	0
Sl2DecC08	.	.	.	.	G	C	G	G	C	C	.	T	T	C	G	44	33	0
Sl2DecC09	.	.	.	.	G	C	A	G	C	C	.	T	T	C	G	44	33	0
Sl2DecE03	.	.	.	T	G	C	.	G	C	A	.	T	T	C	T	44	33	0
cDNA-1A8	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	G	T	C	T	39	33	0
cDNA-1D3	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	G	T	C	T	39	33	0
cDNA-1F4	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	G	T	C	T	39	33	0
cDNA-1G11	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	G	T	C	T	39	33	0
cDNA-1G3	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	G	T	C	T	39	33	0

RbaF1 primer translation	5' <span style="float: right;">3'</span>						Percent match to														
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	W			T			N			L			F			S					
cDNA-1H2	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	.	G	T	C	T	39	33	0
cDNA-3C9	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	A	.	.	T	T	C	T	39	33	0
cDNA-3E8	.	.	.	.	.	C	G	C	T	G	C	T	.	.	G	T	C	T	39	33	0
ST2AUG52	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
ST2AUG65	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
ST2AUG88	.	.	.	.	.	C	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
Sl2DecA02	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
Sl2DecE01	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
Sl2DecG09	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
Sl2DecG10	.	.	.	.	.	A	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	G	39	33	0
ST2AUG15	.	.	.	G	T	C	T	C	G	G	C	.	C	.	.	T	C	G	33	33	0
Sl2DecC12	.	.	.	.	T	A	G	C	G	G	C	C	.	.	T	T	C	A	33	33	0
ST2AUG26	.	.	.	G	T	C	T	C	G	G	C	A	C	.	.	T	C	G	28	33	0
ST2AUG78	.	.	.	G	T	C	T	C	G	G	C	A	C	.	.	T	C	G	28	33	0
BACmed31B01	.	.	.	.	.	.	C	G	G	C	T	.	A	T	T	C	T	44	17	0	

	3' <span style="float: right;">5'</span>										Percent match to							
	G	G	C	G	A	C	C	G	C	G	A	G	T	T	G	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
RbaR1 primer (rev. compl.)	G	G	C	G	A	C	C	G	C	G	A	G	T	T	G			
translation	G			D			R			E			L					
DelRiverFos13D03	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
Roseobacter_OCH114	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
cDNA-3E6	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
SI2DecG07	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
cDNA-1H1	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
cDNA-1E8	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
Roseobacter_denitrificans	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
cDNA-3D9	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
DB_2B02	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
DB_1E03	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
ST2AUG38	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Roseobacter_litoralis	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Rhodobacter_blasticus	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Rhodovulum_sulfidophilum	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Rhodobacter_sphaeroides	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	87	83	100
ST2AUG06	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	A	C	.	.	.	87	100	100
DB_2H08	.	.	.	.	.	.	.	G	.	.	.	.	C	.	.	87	100	100
bacterium_R2A163	.	.	.	.	.	.	.	G	.	.	.	.	C	.	.	87	100	100
Rhodobacter_capsulatus	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	87	83	100
cDNA-1A5	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	87	100	100
Roseobacter_BS90	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	87	100	100
DB_1E01	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	T	.	87	100	100
DB_1G02	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	T	.	87	100	100
Rhodobacter_azotoformans	.	.	.	.	T	G	.	.	.	.	.	.	C	.	.	80	67	100
Rhodobacter_veldkampii	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	A	C	.	.	.	80	83	100
bacterium_MBIC3951	.	.	.	.	.	.	.	T	.	.	.	.	C	A	.	80	100	100
medS01P3	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	T	.	80	83	100
cDNA-1A1	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
cDNA-3C8	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
cDNA-1E6	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
cDNA-3D4	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
cDNA-3B2	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
cDNA-1F1	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
cDNA-1C5	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	C	C	.	80	83	100
DB_2G11	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	A	.	80	83	100
SI2DecC07	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
SI2DecC05	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
SI2DecA07	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
SI2DecE09	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
SI2DecE03	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
Roseobacter_S03	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
SI2DecB06	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
DB_2E10	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
DB_2H11	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
DB_2C12	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
DB_2A03	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
DB_2G12	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	T	.	80	83	100
MBBAC24D02	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	A	C	.	80	83	100

	3' <span style="float: right;">5'</span>										Percent match to						
	G G C			G A C			C G C			G A G	T T G		WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END		
	G			D			R			E	L						
RbaR1 primer (rev. compl.) translation																	
MBBAC65D09	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
MBBAC52B02	.	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecD10	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecF09	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG101	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG58	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecG06	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecE06	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecH09	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG105	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG74	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG20	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecE10	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1A12	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	C	.	C	80	83	100
cDNA-1C6	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	C	.	C	80	83	100
cDNA-1H9	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	C	.	C	80	83	100
cDNA-1B7	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	C	.	C	80	83	100
SI2DecA05	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	T	80	83	100
cDNA-3C9	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	T	80	83	100
SI2DecD05	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecG08	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1D10	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG60	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1E9	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1F10	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1F2	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1F6	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1B1	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecD04	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-3A9	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG35	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1H3	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG95	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1E3	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1E11	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-3B8	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-1H7	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
SI2DecD08	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
cDNA-3A2	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG69	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
ST2AUG13	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	100
LFmorphotype_B	.	.	.	.	G	.	G	.	.	A	C	.	.	.	73	83	100
DB_2G08	.	.	.	.	T	.	T	.	.	C	.	T	.	.	73	83	100
ST2AUG37	.	.	.	.	A	.	A	.	.	C	.	C	.	.	73	83	100
ST2AUG54	.	.	.	.	G	.	.	.	.	A	G	.	C	.	73	83	100
DB_2A09	.	.	.	.	T	.	T	.	.	C	.	T	.	.	73	83	100
cDNA-3A8	.	.	.	.	A	.	T	.	.	A	.	C	.	.	73	83	100
cDNA-1F7	.	.	.	.	A	.	T	.	.	A	.	C	.	.	73	83	100

	3' <span style="float: right;">5'</span>									Percent match to								
	G G C			G A C			C G C			G A G			T T G			WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	G			D			R			E			L					
RbaR1 primer (rev. compl.)																		
translation																		
cDNA-3E10	.	.	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
cDNA-1G8	.	.	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
cDNA-3B5	.	.	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
DB_2A12	.	.	.	.	T	.	.	G	.	.	.	C	.	A	73	83	100	
DB_2F04	.	.	.	.	T	.	.	G	.	.	.	C	.	A	73	83	100	
ST2AUG15	.	.	.	.	T	.	.	G	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
cDNA-1B8	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	G	.	C	73	83	100	
cDNA-1G9	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG63	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
MedRsbBS110	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG09	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG92	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG47	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG23	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG18	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG31	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG83	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG76	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG51	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
cDNA-1F5	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG36	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG17	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG82	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG66	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG59	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG55	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG61	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG89	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG04	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG64	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG97	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG68	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG102	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG90	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG93	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG50	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG34	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG106	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG71	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG107	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG30	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG67	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG24	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG79	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG53	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
Roseobacter_BS110	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG77	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	
ST2AUG32	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100	

	3' <span style="float: right;">5'</span>					Percent match to													
	G	G	C	G	A	C	C	G	C	G	A	G	T	T	G	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END	
	G					D			R			E			L				
RbaR1 primer (rev. compl.)																			
translation																			
ST2AUG80																			
cDNA-3A12																			
ST2AUG57																			
cDNA-1C3																			
ST2AUG41																			
ST2AUG73																			
ST2AUG98																			
ST2AUG44																			
ST2AUG22																			
ST2AUG81																			
ST2AUG07																			
cDNA-3E1																			
cDNA-3C1																			
cDNA-3C2																			
DB_1B11																			
DB_2C06																			
DB_2A04																			
DB_2E02																			
DB_2E08																			
DB_2H01																			
DB_1C12																			
DB_2A11																			
DB_2C09																			
DB_2E03																			
DB_1F11																			
DB_2A07																			
DB_2D10																			
DB_2H09																			
DB_2E06																			
DB_2C11																			
DB_2A10																			
DB_2H06																			
DB_1D11																			
DB_2F10																			
DB_2D06																			
DB_2B08																			
DB_2H07																			
DB_2G04																			
DB_1G11																			
DB_2C02																			
DB_1H11																			
Sl2DecC01																			
cDNA-1F9																			
medS06P2																			
MBBAC60D04																			
MBBAC30G07																			
MBBAC56B12																			
ST2AUG99																			

RbaR1 primer (rev. compl.) translation	3' 5'										Percent match to				
	G G C			G A C			C G C			G A G	T T G		WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	G			D			R			E		L			
Sl2DecE02	.	.	.	.	G	.	T	.	A	A	C	67	83	100	
Sar01287106	.	.	A	.	T	A	.	A	.	.	.	73	67	67	
Sar01287106	.	.	A	.	T	A	.	A	.	.	.	73	67	67	
Sl2DecC06	.	.	T	.	T	.	.	.	.	G	T	73	67	67	
ST2AUG42	.	.	G	.	.	.	G	.	A	C	.	73	83	67	
DB_1F01	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2H10	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2F12	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2F02	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2C05	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2F05	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_1A12	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_1F03	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2D01	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2B06	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_1B02	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2F11	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2D09	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2H03	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2A01	.	.	A	.	T	.	G	.	A	.	.	73	67	67	
cDNA-3D2	.	.	T	.	A	.	.	.	A	C	.	73	67	67	
cDNA-3B7	.	.	T	.	A	.	.	.	A	C	.	73	67	67	
cDNA-3A3	.	.	T	.	A	.	.	.	A	C	.	73	67	67	
Sl2DecG01	.	.	T	.	.	.	G	.	A	C	.	73	83	67	
ST2AUG46	.	.	T	.	G	.	.	.	A	G	.	73	67	67	
ST2AUG86	.	.	T	.	G	.	.	.	A	G	.	73	67	67	
DB_1G01	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2E01	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
DB_1C02	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2H04	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
DB_2F07	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
DB_1C11	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
DB_1H03	.	.	A	.	T	.	T	.	A	.	.	73	67	67	
Sl2DecG11	.	.	T	.	A	.	.	.	.	G	T	73	67	67	
Sar01024194	.	.	G	.	.	A	A	.	.	.	A	73	83	67	
Sar01319421	.	.	G	.	.	A	A	.	.	.	A	73	83	67	
Sar01024194	.	.	G	.	.	A	A	.	.	.	A	73	83	67	
Sar01319421	.	.	G	.	.	A	A	.	.	.	A	73	83	67	
BACmed31B01	.	.	T	.	.	.	.	.	A	C	C	73	83	67	
cDNA-1A4	.	.	G	.	A	.	.	.	.	A	C	73	67	67	
cDNA-1C1	.	.	G	.	A	.	.	.	.	A	C	73	67	67	
Sl2DecF03	.	.	T	.	A	.	.	.	.	A	T	73	67	67	
Sl2DecA01	.	.	T	.	A	.	.	.	.	A	T	73	67	67	
Sl2DecB05	.	.	T	.	A	.	.	.	.	A	T	73	67	67	
Sl2DecF01	.	.	T	.	A	.	.	.	.	A	T	73	67	67	
Sl2DecA03	.	.	T	.	A	.	.	.	.	A	T	73	67	67	
Sl2DecA06	.	.	T	.	A	.	.	.	.	A	T	73	67	67	
Sl2DecD12	.	.	T	.	G	.	.	.	.	A	T	73	67	67	



	3' <span style="float: right;">5'</span>										Percent match to								
	G G C			G A C			C G C			G A G	T T G			WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END			
	G			D			R			E	L								
RbaR1 primer (rev. compl.)																			
translation																			
St2DecC04	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecF11	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecD07	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecC10	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecA09	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecB12	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecC11	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
St2DecA02	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
bacterium_R2A84	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecB07	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecG09	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecD01	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecE01	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecE05	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecG10	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecD11	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecA04	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecG03	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecE04	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecC09	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecF12	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecD02	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecD06	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecD09	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecF08	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecE12	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecB11	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecB10	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecE11	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecF05	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
St2DecC12	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
Sar01400725	.	.	A	.	.	T	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	80	67	67
Sar01400725	.	.	A	.	.	T	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	80	67	67
eBACred25D05	.	.	A	.	.	.	.	.	T	.	.	.	.	C	.	.	80	83	67
red12242701	.	.	A	.	.	.	.	.	T	.	.	.	.	C	.	.	80	83	67
red12222201	.	.	A	.	.	.	.	.	T	.	.	.	.	C	.	.	80	83	67
redE100P3	.	.	A	.	.	.	.	.	T	.	.	.	.	C	.	.	80	83	67
cDNA-3D12	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	67
cDNA-1D5	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	67
cDNA-3A10	.	.	T	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	67
DB_2E09	.	.	G	.	.	.	A	.	A	.	.	A	.	.	A	.	67	83	67
SarY01093008	.	.	G	.	.	.	A	.	A	.	.	A	.	.	A	.	67	83	67
SarY01093008	.	.	G	.	.	.	A	.	A	.	.	A	.	.	A	.	67	83	67
Sar01194873	.	.	T	.	.	T	.	.	T	.	.	A	.	.	A	.	67	67	67
Sar01194873	.	.	T	.	.	T	.	.	T	.	.	A	.	.	A	.	67	67	67
red13211051	.	.	T	.	.	T	.	.	T	.	.	A	C	.	.	.	67	67	67
St2DecC02	.	.	G	.	.	A	.	.	.	.	.	A	A	.	C	.	67	67	67
St2DecE07	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	A	A	.	T	.	67	67	67

	3' <span style="float: right;">5'</span>									Percent match to								
	G G C			G A C			C G C			G A G			T T G			WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END
	G			D			R			E			L					
RbaR1 primer (rev. compl.)																		
translation																		
SI2DecF06			T			A						A	A		T	67	67	67
DelRiverFos06H03			T			A						A	A		T	67	67	67
SI2DecE08			T			A						A	A		T	67	67	67
SI2DecF07			T			A						A	A		T	67	67	67
cDNA-1D3			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-3E8			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-1H2			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-3E11			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-1F4			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-1G11			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-1A8			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-1G3			T			A			T				A		T	67	67	67
cDNA-1E10			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-3D10			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-1B12			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-3B10			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-3C3			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-1G4			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-1C4			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-3C11			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-3B3			T			G						A	C		C	67	67	67
cDNA-3D11			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3E4			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3B11			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3C7			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-1F11			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-1A10			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3D8			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3A6			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-1G1			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-1E12			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3A11			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-3C10			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-1B3			T			G			T				A		A	67	67	67
cDNA-1D9			T			A			G				A		C	67	67	67
cDNA-1F12			T			A			G				A		C	67	67	67
cDNA-1B11			T			A			G				A		C	67	67	67
SI2DecC08			T			G						A	A		T	67	67	67
ST2AUG39			T			G						A	A		T	67	67	67
SI2DecH07			T			G						A	A		T	67	67	67
SI2DecG02			T			G						A	A		T	67	67	67
SI2DecB04			T			G						A	A		T	67	67	67
SI2DecB08			T			G						A	A		T	67	67	67
SI2DecC03			T			G						A	A		T	67	67	67
ST2AUG100			T			G			T				A		T	67	67	67
ST2AUG49			T			G			T				A		T	67	67	67
ST2AUG29			T			G			T				A		T	67	67	67
ST2AUG103			T			G			T				A		T	67	67	67

RbaR1 primer (rev. compl.) translation	3' 5'									Percent match to									
	G G C			G A C			C G C			G A G T T G			WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END				
	G			D			R			E			L						
ST2AUG104	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG14	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG87	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG75	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG40	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG25	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG56	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
ST2AUG85	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	T	67	67	67	
Sl2DecG05	.	.	T	.	.	G	.	.	A	.	.	.	A	.	C	67	67	67	
Sl2DecD03	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG19	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG88	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
Sl2DecA11	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG65	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG10	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
Sl2DecF10	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG43	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG52	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A A	.	C	67	67	67	
ST2AUG72	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	67	67	67	
ST2AUG48	.	.	T	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	67	67	67	
ST2AUG26	.	.	T	.	.	T	.	.	T	.	.	.	A	.	C	67	67	67	
ST2AUG78	.	.	T	.	.	T	.	.	T	.	.	.	A	.	C	67	67	67	
DB_2A02	.	.	A	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	67	67	67	
SarY01078100	.	.	A	.	.	.	A	.	G	.	.	.	A C	.	C	60	83	67	
SarY01078100	.	.	A	.	.	.	A	.	G	.	.	.	A C	.	C	60	83	67	
ST2AUG16	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A G	.	T	60	67	67	
ST2AUG08	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A G	.	T	60	67	67	
ST2AUG91	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A G	.	T	60	67	67	
Sl2DecB09	.	.	T	.	.	G	.	.	.	.	.	.	A A A	.	T	60	67	67	
ST2AUG01	.	.	T	.	.	G	.	.	G	.	.	.	A A	.	C	60	67	67	
cDNA-3E12	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	T	60	67	67	
cDNA-1F3	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	T	60	67	67	
ST2AUG33	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	C	60	67	67	
ST2AUG94	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	C	60	67	67	
ST2AUG45	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	C	60	67	67	
cDNA-3A7	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	T	60	67	67	
cDNA-1B9	.	.	T	.	.	A	.	.	T	.	.	.	A A	.	T	60	67	67	
medS06P3	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	67
medS01P12	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	80	83	67
DB_2B11	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2E11	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2B04	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2G03	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2B12	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2C01	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2G01	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2D12	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67
DB_2C08	.	.	C	.	.	.	T	.	.	.	.	.	.	A	.	T	73	67	67

	3' <span style="float: right;">5'</span>										Percent match to						
	G G C			G A C			C G C		G A G		T T G			WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END	
	G			D			R		E		L						
RbaR1 primer (rev. compl.) translation																	
MBBAC29C02	.	C	T	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	33	
MBBAC39B11	.	C	T	.	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	33	
DB_2A08	.	C	G	.	.	.	.	G	.	.	A	.	C	67	67	33	
DB_2G06	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2B07	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2F01	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_1B12	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_1E02	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2A05	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2E05	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_1B01	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2B09	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2D07	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2G09	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2E07	.	C	T	.	.	.	.	G	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_1D03	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2G10	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2F08	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_1C01	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2F03	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2G05	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2B05	.	C	T	.	.	T	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2C04	.	C	T	.	.	T	.	T	.	.	A	.	C	60	50	33	
cDNA-3A5	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
cDNA-1C7	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2D04	.	C	A	.	.	.	.	T	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_1C03	.	C	A	.	.	.	.	T	.	.	A	A	.	C	60	67	33
DB_2D03	.	C	A	.	.	.	.	T	.	.	A	A	.	C	60	67	33
cDNA-1B4	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
cDNA-3C4	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
cDNA-1C9	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2C03	.	C	G	.	.	T	.	G	.	.	A	.	C	60	50	33	
cDNA-1G5	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2H05	.	C	G	.	.	T	.	G	.	.	A	.	C	60	50	33	
cDNA-1A9	.	C	T	.	.	G	.	.	.	.	A	A	.	C	60	50	33
DB_2E12	.	C	G	.	.	.	.	T	.	.	A	A	.	A	60	67	33
DB_1H02	.	C	T	.	.	T	.	A	.	.	A	A	.	C	53	50	33
DB_1F02	.	C	A	.	.	T	.	A	.	.	A	A	.	C	53	50	33
DB_2D08	.	C	A	.	.	T	.	A	.	.	A	A	.	C	53	50	33
DB_1G03	.	C	A	.	.	T	.	A	.	.	A	A	.	C	53	50	33
DB_2B01	.	C	A	.	.	T	.	A	.	.	A	A	C	C	47	50	33

	5'																	3'			Percent match to		
	T	G	G	A	C	G	A	A	C	C	T	G	T	T	C	A	G	C	WHOLE PRIMER	6 BASES AT 3' END	3 BASES AT 3' END		
RbaF1 primer																		56	50	0			
bacterium_MBIC3951	.	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	.	.	.	.	T	C	G	94	100	100		
bacterium_R2A163	.	.	.	.	.	C	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	56	33	0		
Roseobacter_OCH114	.	.	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	.	T	T	C	G	78	100	100		
Rhodobacter_blasticus	.	.	.	.	.	C	.	.	.	A	A	C	.	.	.	.	.	.	56	50	0		
Rhodovulum_sulfidophilum	.	.	.	.	.	C	.	C	.	G	C	C	.	.	.	T	C	G	50	50	0		
Roseobacter_BS90	.	.	.	.	.	C	.	C	G	G	C	T	.	.	.	T	C	G	56	33	0		
Roseobacter_denitrificans	.	.	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	.	T	T	C	G	56	33	0		
Roseobacter_litoralis	.	.	.	.	.	.	.	C	A	G	C	.	.	.	T	T	C	G	78	67	33		
Roseobacter_S03	.	.	.	.	.	C	.	.	T	.	.	.	.	.	.	T	C	.	64	57	26		

	<b>3' 5'</b>															<b>Percent match to</b>		
	<b>G</b>	<b>G</b>	<b>C</b>	<b>G</b>	<b>A</b>	<b>C</b>	<b>C</b>	<b>G</b>	<b>C</b>	<b>G</b>	<b>A</b>	<b>G</b>	<b>T</b>	<b>T</b>	<b>G</b>	<b>WHOLE PRIMER</b>	<b>6 BASES AT 3' END</b>	<b>3 BASES AT 3' END</b>
RbaR1 primer (rev. compl.)																		
bacterium_MBIC3951	.	.	.	.	.	.	.	.	T	.	.	.	C	.	A	80	100	100
bacterium_R2A163	.	.	.	.	.	.	.	.	G	.	.	.	C	.	.	87	100	100
bacterium_R2A84	.	.	T	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	C	73	67	67
Rhodobacter_azotoformans	.	.	.	.	T	G	.	.	.	.	.	.	C	.	.	80	67	100
Rhodobacter_blasticus	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Rhodobacter_capsulatus	.	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	C	.	.	87	83	100
Rhodobacter_sphaeroides	.	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	.	C	.	.	87	83	100
Rhodobacter_veldkampii	.	.	.	.	.	G	.	.	.	.	.	A	C	.	.	80	83	100
Rhodovulum_sulfidophilum	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Roseobacter_BS110	.	.	.	.	.	G	.	.	T	.	.	.	A	.	C	73	83	100
Roseobacter_BS90	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	C	87	100	100
Roseobacter_denitrificans	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
Roseobacter_litoralis	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	C	.	.	93	100	100
Roseobacter_OCH114	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	100	100	100
Roseobacter_S03	.	.	.	.	.	A	.	.	.	.	.	.	A	.	T	80	83	100
																86	90	98